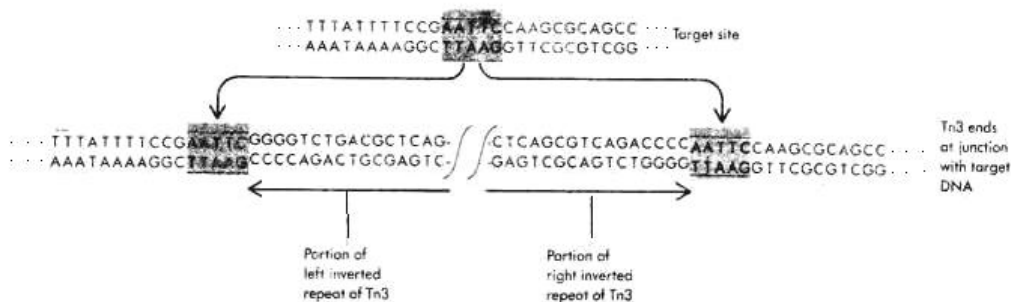


چگونگی حرکت ترانسپوزون‌ها

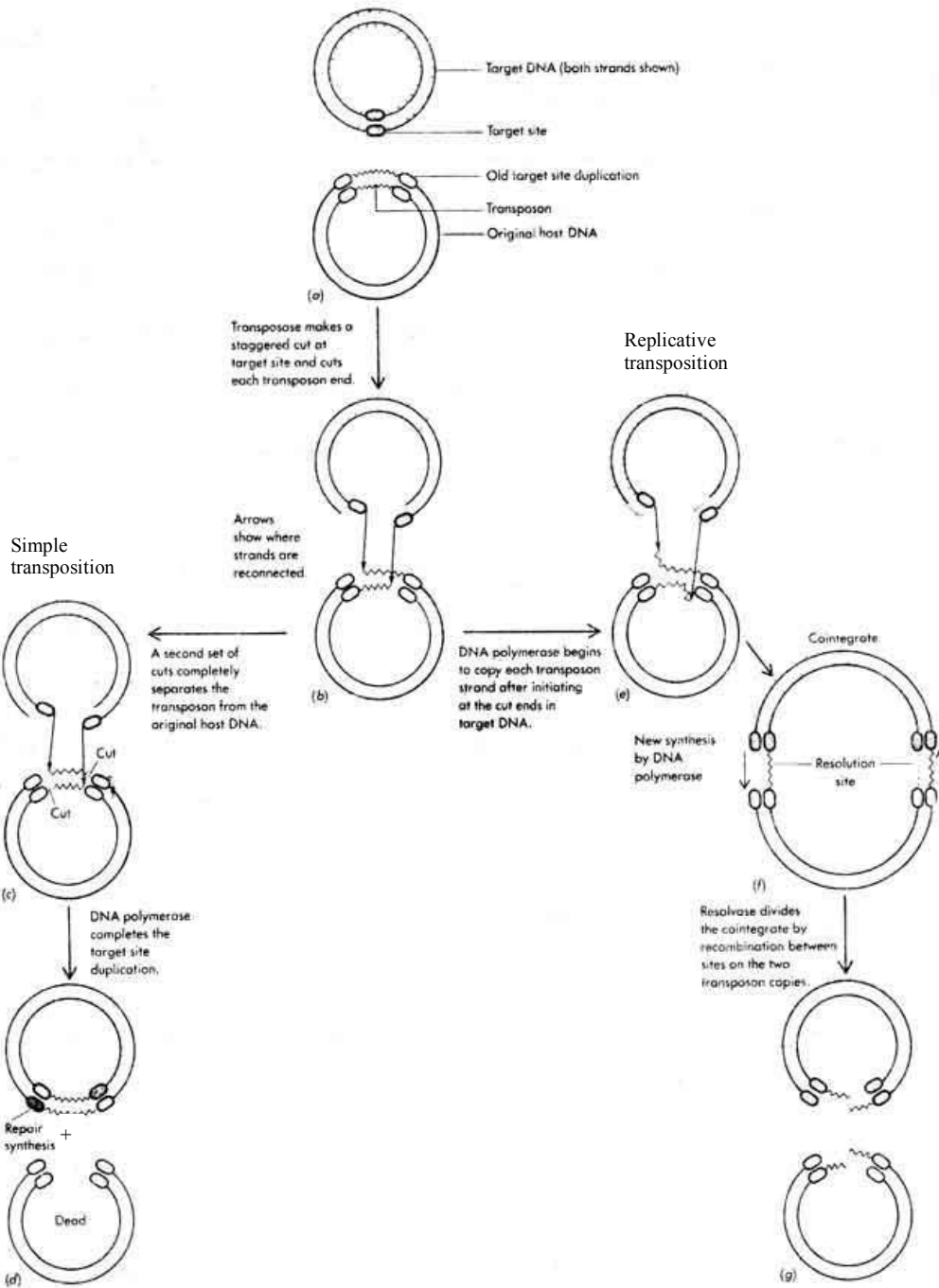
بررسی توالی *DNA* ترانسپوزونهای باکتریها مانند *Tn3* و نیز بررسی جایگاه اتصال آنها به *DNA* هدف تا حدی مکانیسم ترانسپوزیشن را روشن کرده است. اولاً حرکت ترانسپوزونها دقیق می‌باشد و سبب حمل کلیه توالیهای دخولی جایگاه قدیمی می‌شوند، در حالی که بر توالیهای مجاور اثری نمی‌گذارند. این موضوع تنها زمانی می‌تواند صادق باشد که آنزیمی (به احتمال قوی ترانسپوزاز) انتهای ترانسپوزون را تشخیص دهد ضمناً انتهای فوق باید یکسان باشند. چون آنها جایگاههای اتصال مشترک ترانسپوزاز هستند. ثانیاً در جایگاه دخول، ۳ الی ۱۲ باز از *DNA* هدف (تعداد نوکلئوتیدها بستگی به نوع ترانسپوزون دارد) مضاعف می‌شوند و یک کپی از آنها در هر یک از انتهای ترانسپوزون باقی می‌ماند (شکل ۱).



شکل ۱. ردیف نوکلئوتیدهای جایگاه هدف *Tn3* با توالیهای مهم پنج باز که پررنگ شده است. بعد از ورود *Tn3* هر یک از توالیهای پنج نوکلئوتیدی به هر یک از انتهای *Tn3* (ولی در جهت معکوس) متصل می‌شوند.

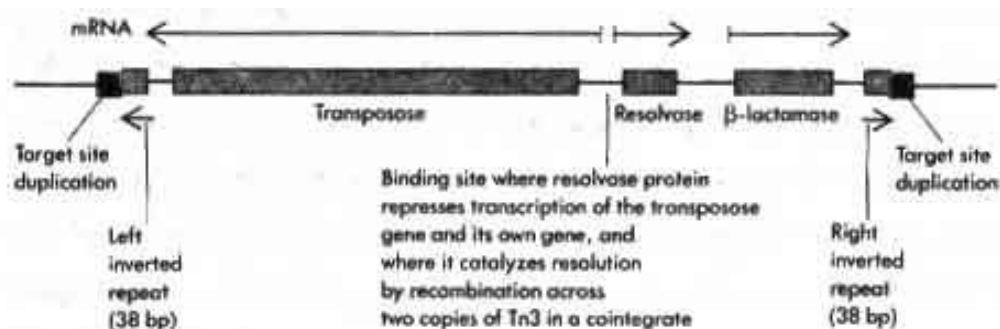
بنابراین لازمه مضاعف شدن جایگاه هدف در هنگام ترانسپوزیشن سنتز *DNA* است و این اختلاف مهمی با نو ترکیبی در جایگاه ویژه که در هنگام انتگره شدن فاز لامبدا بوجود می‌آید، دارد. ثالثاً با آنکه اکثر ترانسپوزونها عمدتاً به هر ناحیه‌ای از ژنوم جدید می‌روند ولی حرکت آنها تصادفی نیست بلکه به توالیهای *DNA* معینی حمله می‌نمایند. بعضی به توالی متقارن چهار تا شش جفت بازی (درست مشابه آنچه سوسترای آنزیم‌های محدودکننده است) اثر می‌گذارند.

مطالعات انجام شده بر روی آنزیم‌هایی مانند انتگراز فاز لامبدا و توپوایزومراز که سبب قطع و اتصال مجدد *DNA* می‌شوند، می‌توانند به عنوان مدلی جهت توضیح چگونگی عمل ترانسپوزاز باشند (شکل ۲). احتمالاً ابتدا ترانسپوزاز به انتهای ترانسپوزون و نیز توالی *DNA* هدفی که ترانسپوزون در آن دخول خواهد یافت، متصل می‌شود و سپس برشهایی با انتهای چسبنده مشابه آنچه آنزیم‌های محدودکننده ایجاد می‌کردند در *DNA* هدف و ترانسپوزون ایجاد می‌کند و سپس انتهای آزاد شده ترانسپوزون به جایگاه هدف متصل می‌شوند و بدین طریق دو مولکول *DNA* به هم ملحق می‌گردند (ترانسپوزون بین دو انتهای چسبنده *DNA* اولیه قرار می‌گیرد). به هر حال بر حسب نوع ترانسپوزون یا شرایط خاص رشد، دو نوع اتصال ممکن است انجام شود: در ترانسپوزیشن ساده در انتهای ترانسپوزون بطوری که در شکل ۲c ملاحظه می‌شود برشهای اضافی بوجود می‌آید بطوری که تنها ترانسپوزون کامل وارد *DNA* جدید می‌گردد و این امر سبب باقی ماندن شکافی در *DNA* میزبان قدیمی می‌شود که کشنده بوده و ممکن است سبب مرگ آن گردد. به هر حال *DNA* جدید که حالا واجد ترانسپوزون شده است با قرار گرفتن چند نوکلئوتید (این عمل توسط *DNA* پلیمراز صورت می‌گیرد) ترمیم شده، تمامیت خود را بدست می‌آورد (شکل 2d).



شکل ۲. یک مدل ترانسپوزیشن (a) ترانسپوزاز به دو انتهای ترانسپوزون در DNA هدف متصل می‌شود. (b) برشهای اختصاصی در هر دو مولکول DNA ایجاد شده و بعد از تعویض قطعات دوباره به DNA متصل می‌گردند. (c) سپس ترانسپوزون کاملاً از DNA میزبان جدا می‌شود (d) و مضاعف شدن جایگاه هدف به وسیله آنزیم DNA پلیمرز کامل می‌گردد. یک راه دیگر ترانسپوزیشن همانندسازی کننده است در این حالت (e) هر یک از ترانسپوزونها بوسیله DNA پلیمرز کپی برداری می‌شوند (f) و بعد از آنکه در یکدیگر انتگره شدند توسط آنزیم رزولواز از یکدیگر جدا می‌گردند.

بنابراین ترانسپوزیشن ساده عمل حفاظتی است که در آن ترانسپوزون وارد یک جایگاه جدید می‌شود. نوع دوم ترانسپوزیشن همانندسازی کننده است که در آن ترانسپوزون مضاعف می‌شود و تنها یک کپی به سوی *DNA* هدف می‌رود و کپی دوم باقی می‌ماند. در این حالت *DNA* مبدأ (میزبان) تغییر نمی‌کند و برشهای ثانویه‌ای در آن ایجاد نمی‌شود و همان‌گونه که در شکل 2e ملاحظه می‌گردد با اتصال کل *DNA* میزبان و هدف به یکدیگر و انجام همانندسازی (جهت پر کردن شکاف) دو مولکول بطور کامل به یکدیگر ملحق می‌شوند (شکل 2f). در مرحله بعد در اثر عمل رزولواز در جایگاهی معین، برش ایجاد می‌گردد. بدین ترتیب دو قطعه *DNA* مبدأ و هدف از یکدیگر جدا می‌شوند و با تکمیل عمل همانندسازی شکافها یکبار دیگر پر می‌گردند و در این حالت *DNA* مبدأ نیز از بین نمی‌رود و یک نسخه کامل از آن به *DNA* هدف می‌رسد. در حالی که چنانچه هر یک از این مراحل تغییر کند، انواع مختلف فعالیتهای ترانسپوزونها ظاهر می‌شوند. مثلاً اگر آنزیم رزولواز وجود نداشته باشد *DNA* مرکبی که شامل *DNA* مبدأ و مقصد است بوجود می‌آید (مانند پلاسمید R1 شکل 3).



ساختمان ترانسپوزون *Tn3*. *Tn3* آنزیم بتا - لاکتاماز را که سبب شکستن حلقه بتالاکتام انتی بیوتیکهایی چون پنی سیلین و آمپی سیلین می‌گردد و نیز دو آنزیم ترانسپوزاز و رزولواز را کد می‌نماید. طول این ترانسپوزون ۴۹۵۷ نوکلئوتید است. پیکانهای موجود در بالای ژن‌ها نشان‌دهنده جهت رونویسی می‌باشند.

ضمناً امکان دارد محل ایجاد قطع مولکول *DNA* مرکب بطور صحیح انتخاب نشده باشد. در این صورت دو مولکول *DNA* باز آرایبی شده مستقل پدیده خواهد آمد. با بررسی دقیق تر مدلی که در شکل 2 نشان داده شده است ملاحظه می شود که چنانچه ترانسپوزیشن در یک مولکول واحد *DNA* رخ دهد (*DNA* های مبدأ و مقصد یکی باشند) حذف یا معکوس شدن *DNA* صورت می گیرد و سبب تغییر شدید ساختمان کروموزوم فوق می شود.

برای درک عمیق مکانیسم ترانسپوزیشن باید مراحل فوق بصورت *in vitro* مطالعه شود. خوشبختانه با توجه به آنکه عمل ترانسپوزیشن باکتریوفاژ *MU* که هم یک فاژ است و هم یک ترانسپوزون، در عصاره سلولی هم انجام می گردد، می توان انتظار داشت که به کمک آن بتوان دقیقاً چگونگی حرکت ترانسپوزونها را درک نمود.

تجارب اخیر نشان می دهند که حرکت بعضی از ترانسپوزونهای جانداران عالیتراً خصوصاً آنهایی که مربوط به رتروویروسها هستند با ترانسپوزونهای باکتریایی مانند *Tn3* کاملاً متفاوت است. بنابراین ابتدا از روی عناصر *Ty* مخمر رونویسی انجام می گردد و سپس به کمک آنزیم رونویسی کننده معکوس از روی آن *DNA* ساخته می شود و در اثر نوترکیبی، این قطعه *DNA*، از طریق مکانیسمی که هنوز بخوبی شناخته نشده است در کروموزوم میزبان جای می گیرد.