

کنترل ترجمه:

هنگامی که موضوع کنترل بیان ژن را در نظر می‌گیریم این که به خاطر داشته باشیم هدف همه مکانیسم‌های کنترل این است که بر روی مقدار یا فعالیت محصول ژن اثر بگذارند مهم است. بنابراین علاوه بر کنترل‌های رونویسی که بر روی مقدار *mRNA* تولید شده اثر می‌گذارد کنترل‌های ترجمه نیز وجود دارد که بر میزان ترجمه *mRNA* تاثیر می‌گذارد. در پروکاریوت‌ها کنترل ترجمه از کنترل رونویسی به دو دلیل کم‌اهمیت‌تر می‌باشد. اولاً *mRNA* به شدت ناپایدار هستند طول عمری در حدود دو دقیقه دارند. برای کنترل کردن سرعت ترجمه *mRNA*‌های موجود فضای بسیار کمی وجود دارد و دیگر اینکه اساساً مدت زیادی پایدار نیستند. ثانیاً، با وجود اینکه نشانه‌هایی از کنترل ترجمه در پروکاریوت‌ها دیده شده است این چنین کنترل‌هایی تاثیر گذار نیستند (انرژی صرف سنتز زائد *mRNA*‌هایی می‌شود که ممکن است هرگز مورد استفاده قرار نگیرند.)

اگر ژن در ناحیه دور از از پروموتور در یک اپرون پلی‌سیترونی قرار گرفته باشد کنترل ترجمه‌ای بر روی آن ژن می‌تواند صورت پذیرد. به نظر می‌رسد ژن‌هایی که در پایان رونویسی می‌شوند با سرعت کمتری نسبت به ژن‌هایی که در ابتدا رونویسی شده‌اند ترجمه می‌شوند برای مثال سه ژن اپرون *lac* با نسبت 10:5:2 ترجمه می‌شوند این نسبت نشانگر قطبی بودن فرآیند ترجمه می‌باشد. به همین خاطر در پروکاریوت‌ها ترجمه مستقیماً به رونویسی گره خورده است. یک *mRNA* می‌تواند دارای ریبوزوم‌های متصل شده باشد حتی قبل از اینکه رونویسی خاتمه یافته باشد. پس ژن‌های موجود در ابتدای اپرون قبل از ژن‌هایی انتهایی برای ترجمه در دسترس قرار می‌گیرند. به علاوه به نظر می‌رسد اگزونوکلئازها *mRNA* را

بیشتر از انتهای 3' تخریب می کنند.

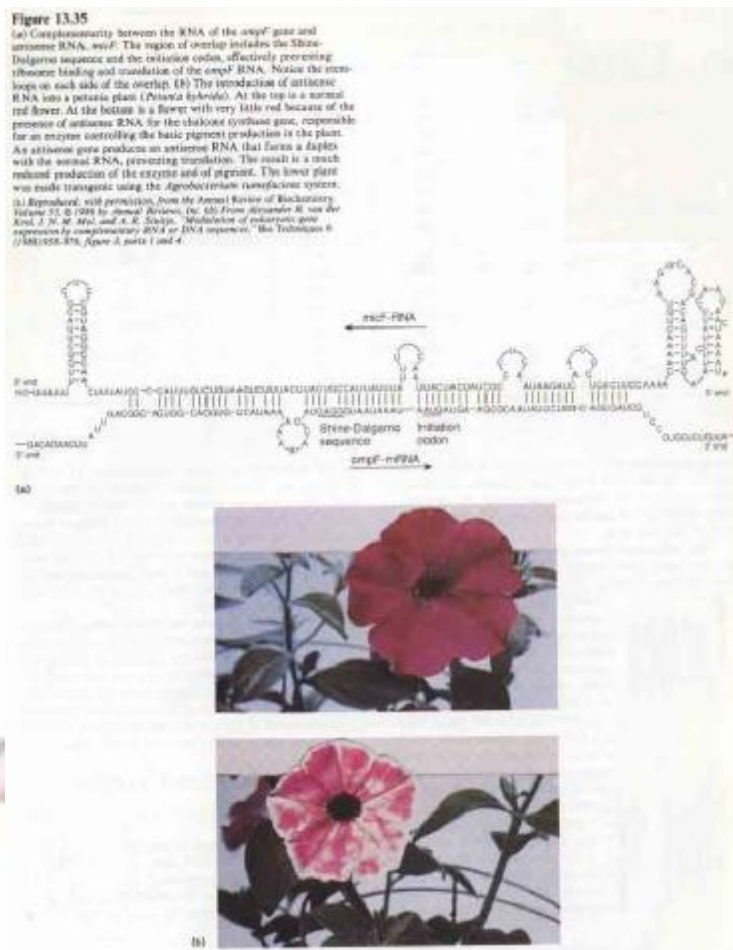
احتمالاً در دوران تکامل انتخاب طبیعی ترتیب ژن ها در اپرون ها را تعیین کرده است به طوری که آن

هایی که آنزیم هایی تولید می کنند که بیشتر مورد احتیاج اند در ابتدای اپرون قرار گرفته اند.

همچنین ترجمه می تواند توسط هیپرید RNA - RNA تنظیم شود. RNA مکمل انتهای mRNA 5'

می تواند مانع ترجمه mRNA گردد. چندین مثال برای این نوع تنظیم شناخته شده است. RNA تنظیم گر

با نام antisense RNA خوانده می شود.



در شکل بالا mRNA مربوط به ژن *ompF* در *E.coli* بوسیله اتصال جفت باز مکمل یک

antisense RNA که *micF RNA* خوانده می شود (*mic* برای

interfering complementary RNA) از ترجمه بازداشته می شود. ژن *ompF* یک جزء غشایی

پروتئین به نام پورین را کد می نماید که همانطور که نامش نشان می دهد منافذی در غشا برای حمل و نقل

مواد ایجاد می کند به طور شگفت آوری به نظر می رسد یک ژن پورین دیگر به نام *ompC* منبع

micF RNA باشد.

رونویسی رشته DNA مقابل (که در حالت عادی ترجمه نمی شود) نزدیک پروموتور ژن *ompC*

antisense RNA را نتیجه می دهد بنابراین به نظر می رسد که یک ژن پورین به دلایلی که هنوز شناخته

نشده است بیان ژن پورین دیگر را تنظیم می کند. به نظر می رسد که *antisense RNA* در پدیده هایی از

قبیل کنترل تعداد پلازمید و کنترل *transposon T10 transposition* دخالت دارد. کنترل بوسیله

antisense RNA یک زمینه مستعد برای ژن درمانی است زیرا *antisense RNA* می تواند به طور

مصنوعی ساخته شود و سپس به سلول یوکاریوتی تزریق شود.

سومین مکانیسم کنترل ترجمه شامل بازدهی می شود که *mRNA* به ریبوزوم متصل می شود این

بازده تا حدودی به توالی نوکلئوتیدی انتهای 5' مولکول *mRNA* مربوط است که مکمل انتهای 3' در قطعه

16s rRNA در ریبوزوم است (توالی *shine - Dalgarno*)

اختلاف های بین توالی های مطابق تاثیرات مختلف را بر روی اتصال دارد و در نتیجه ترجمه با سرعت

های متفاوتی صورت می گیرد. در کد ژنتیکی نیز می تواند در کنترل ترجمه برخی پروتئین ها نقش ایفا کند

چون *tRNA* ها مختلف در سلول به میزان متفاوتی وجود دارند. ژن های با فرآورده پروتئنی فراوان ممکن است کدون هایی داشته باشند که مربوط به *tRNA* های معمول تر باشند به این مفهوم *Codon preference* گفته می شود. به بیان دیگر کدون های مشخص ترجیح داده می شوند که مربوط به *tRNA* هایی هستند که فراوان ترند. ژن هایی که پروتئین هایی را کد می کنند که به مقدار زیاد مورد نیاز نیستند می توانند کدون های مربوط به *tRNA* های کمیاب تر را کد نمایند که سرعت ترجمه این ژن ها را پایین می آورد. توزیع کدون ها در فاز *MS₂* در جدول زیر نشان داده شده است. که بغیر از کدون *UGA* (کدون توقف) همه کدون ها استفاده می شوند.

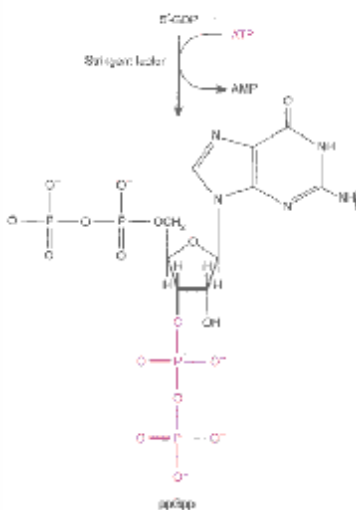
First Position	Second Position								Third Position
	U	C	A	G	U	C	A	G	
U	Phe	10	Ser	13	Tyr	8	Cys	7	U
	Phe	13	Ser	10	Tyr	13	Cys	4	C
	Leu	11	Ser	10	stop	1	stop	0	A
	Leu	4	Ser	13	stop	1	Trp	14	G
C	Leu	10	Pro	7	His	4	Arg	13	U
	Leu	14	Pro	3	His	4	Arg	11	C
	Leu	13	Pro	6	Gln	10	Arg	6	A
	Leu	6	Pro	3	Gln	16	Arg	4	G
A	Ile	8	Thr	14	Asn	11	Ser	4	U
	Ile	16	Thr	10	Asn	23	Ser	8	C
	Ile	7	Thr	8	Lys	12	Arg	8	A
	Met	15	Thr	5	Lys	17	Arg	6	G
G	Val	13	Ala	19	Asp	18	Gly	17	U
	Val	12	Ala	12	Asp	11	Gly	11	C
	Val	11	Ala	14	Glu	9	Gly	4	A
	Val	10	Ala	8	Glu	14	Gly	4	G

توزیع برای همه آمینو اسیدها به صورت تصادفی نیست. برای مثال اسید آمینو گلیسین در کدون معمول و دو کدون نادر دارد این در مورد آرژنین نیز صدق می کند ولی مثلاً در مورد والین صدق نمی کند. آخرین مکانیسم کنترل ترجمه *stringent response* نامیده می شود و هنگامی روی می دهد که

سلول های پروکاریوتی با کمبود اسیدهای آمینه مواجه اند. هنگامی که یک *tRNA* شارژ نشده راه خود را به سوی جایگاه *A* ریبوزوم پیدا می کند اتفاقی مانند کمبود عمومی آمینو اسیدها منجر به *idling reaction* توسط ریبوزوم می شود که منجر به تولید نوکلئوتید منفرد گوانوزین تترافسفات می شود

$$(3' - ppGpp - 5')$$

Figure 13.16
The *stringent factor* catalyzes the conversion of GDP to ppGpp. The acetyl phosphate groups come from ATP.



این نوکلئوتید اساساً *magic spot* خوانده می شود به خاطر حضور ناگهانی اش در کروماتوگرام این مولکول بوسیله یک پروتئین به نام فاکتور *stringent* که محصول ژن *relA* است تولید می شود (ژن به این خاطر *rel* نامیده می شود که *relaxed mutant* ها پاسخ *stringent* ندارند). فاکتور *stringent* باریبوزوم تعامل می کند هر چند که یکی از پروتئین ها ساختاری یا زیر واحدی آن نمی باشد. آنچه که نوکلئوتید منفرد انجام می دهد دقیقاً مشخص نیست. پاسخ *stringent* چندین تغییر شدید در فیزیولوژی باکتری به همراه دارد که شامل توقف تقریباً کامل رونویسی *rRNA*، *tRNA* توقف عمده رونویسی *mRNA* ها

می باشد. این یک تلاش اساسی توسط باکتری است تا دوره شرایط بد سپری شود و محیط سلول دوباره

محتوی مواد غذایی گردد. شاید از آن بتوان به خواب زمستانی باکتری یاد کرد.

شبکه رشد = شبکه ملی مدارس ایران



Olympiad.roshd.ir